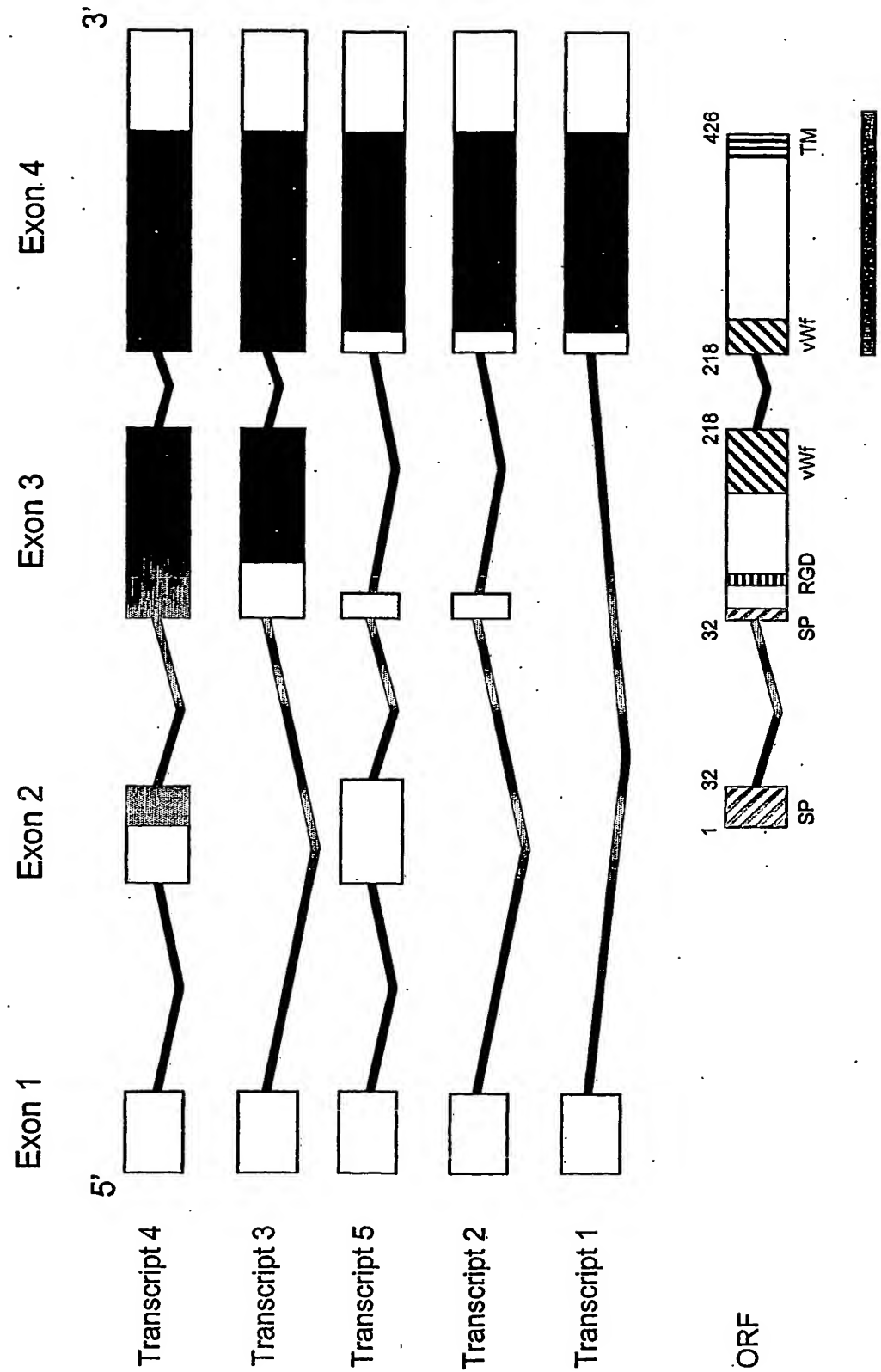


FIGURE 1



BEST AVAILABLE COPY

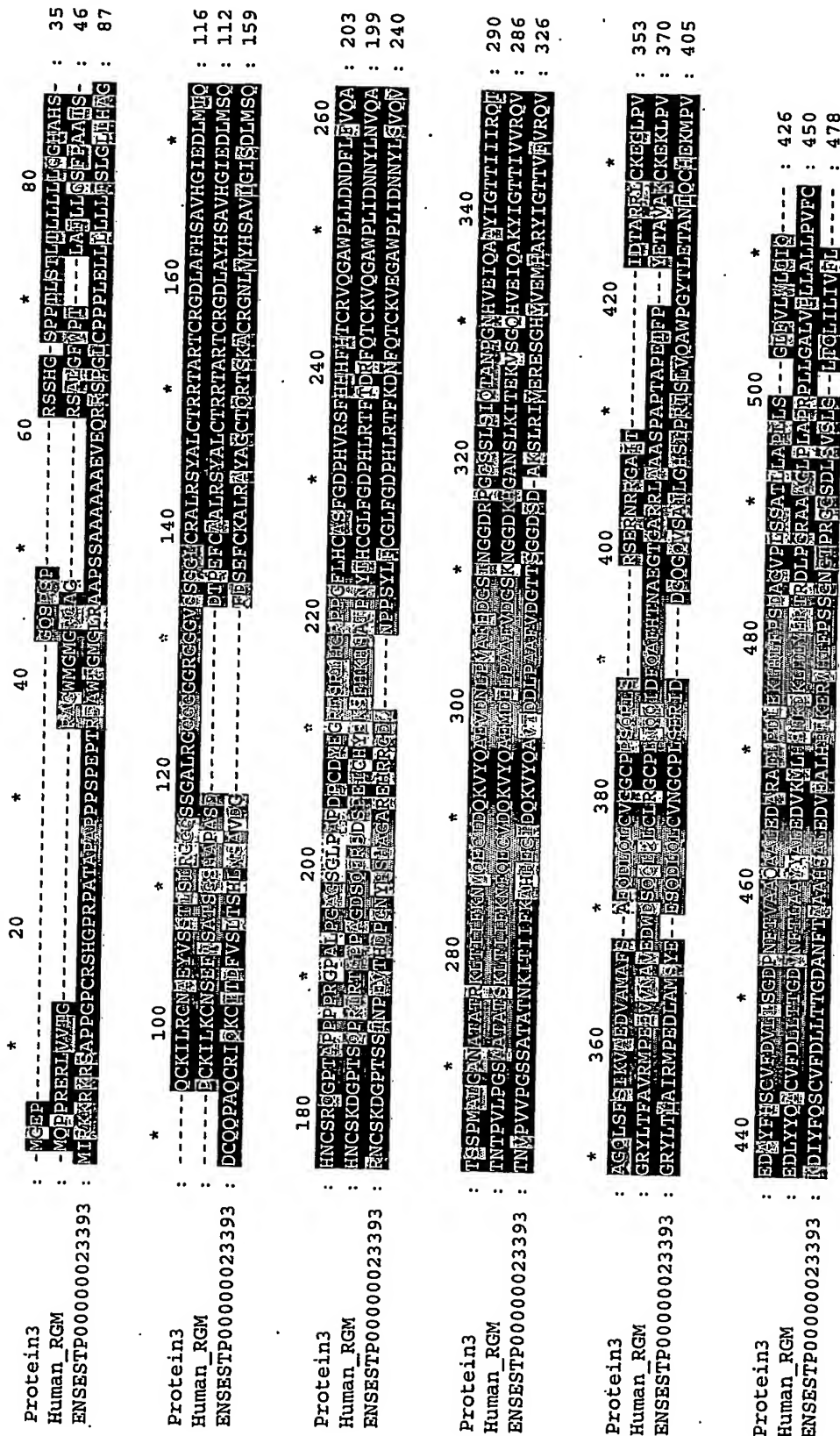


FIGURE 3

BEST AVAILABLE COPY

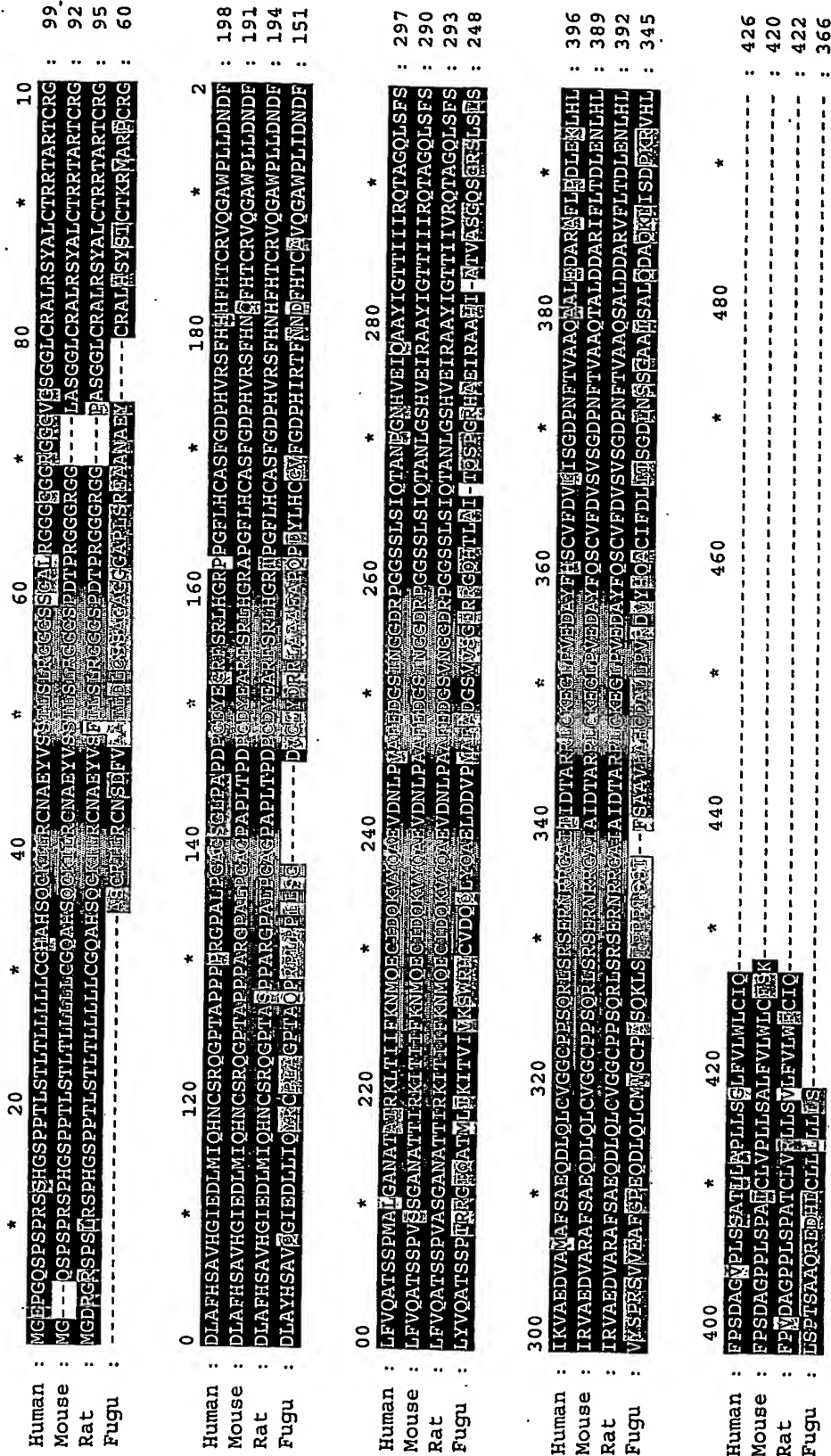
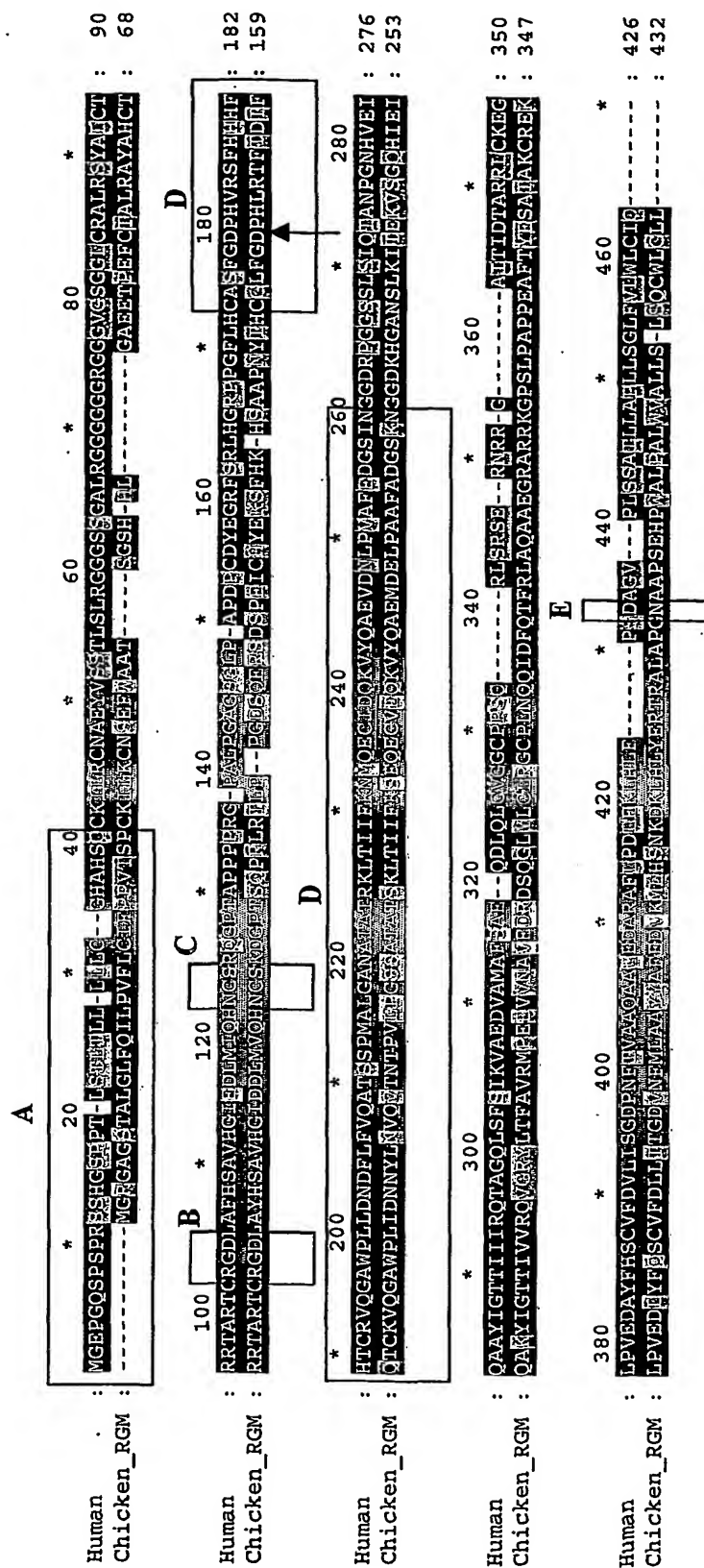


FIGURE 4

BEST AVAILABLE COPY

FIGURE 5



BEST AVAILABLE COPY

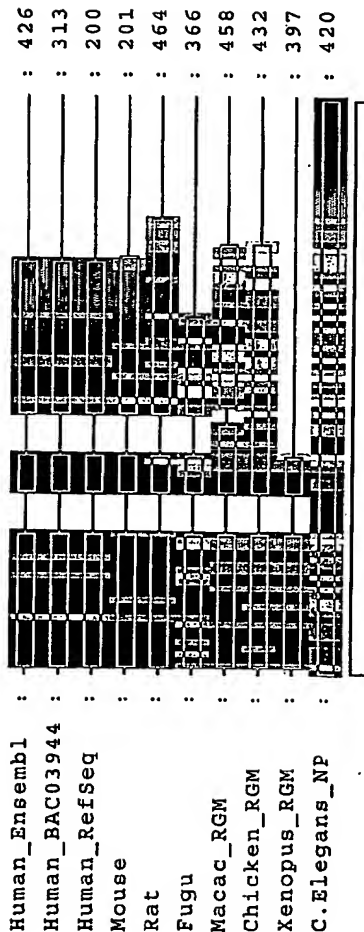
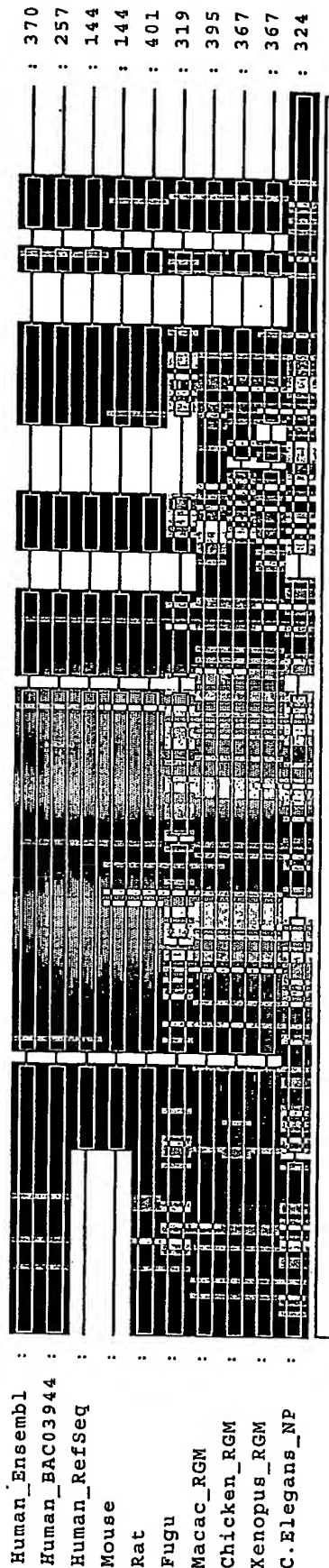
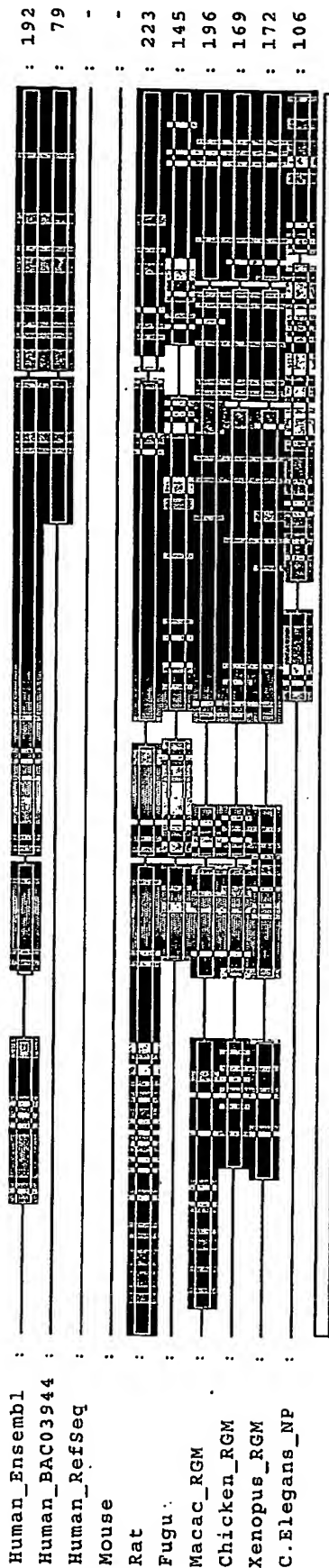


FIGURE 6A

Figure 6B

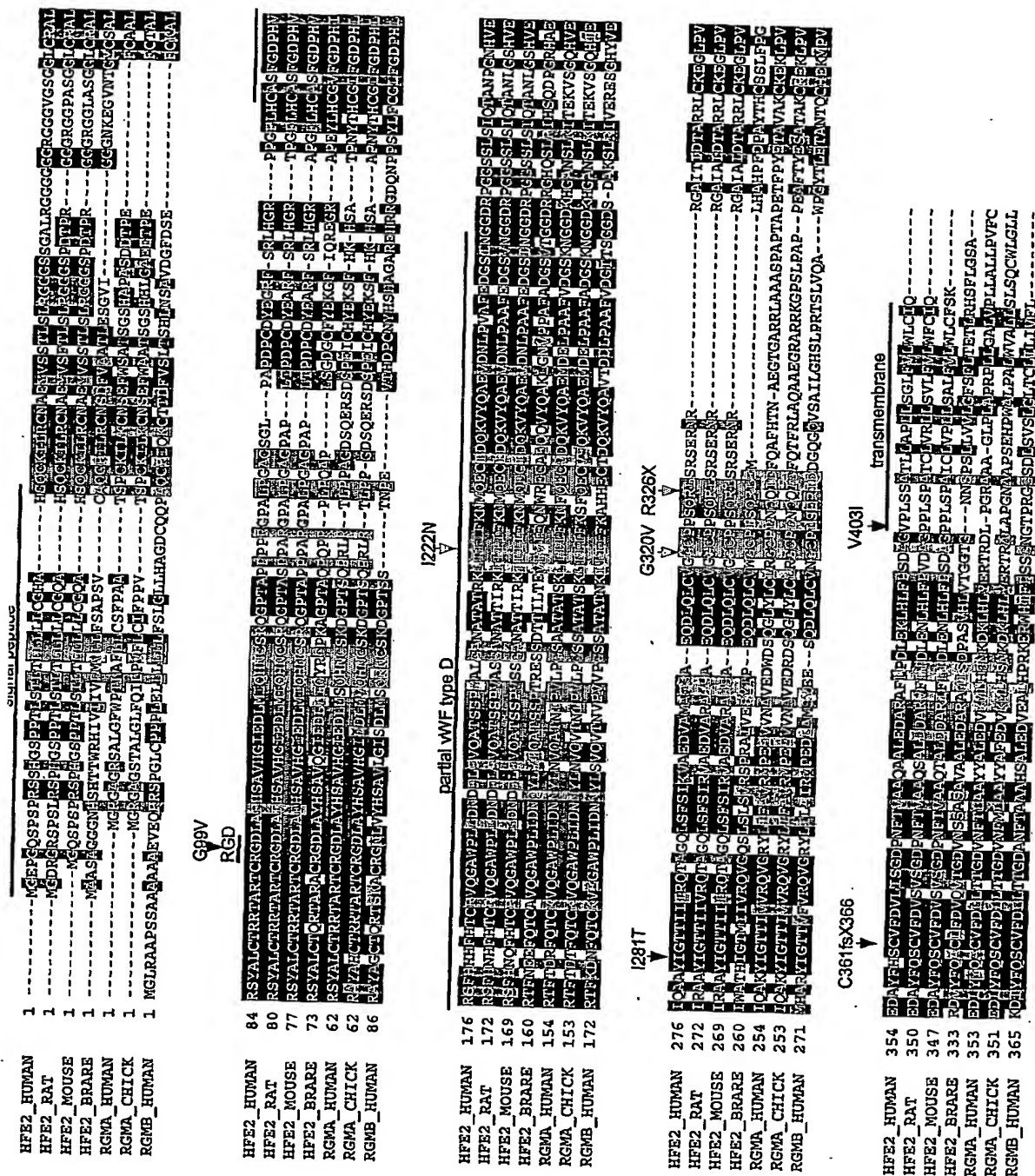
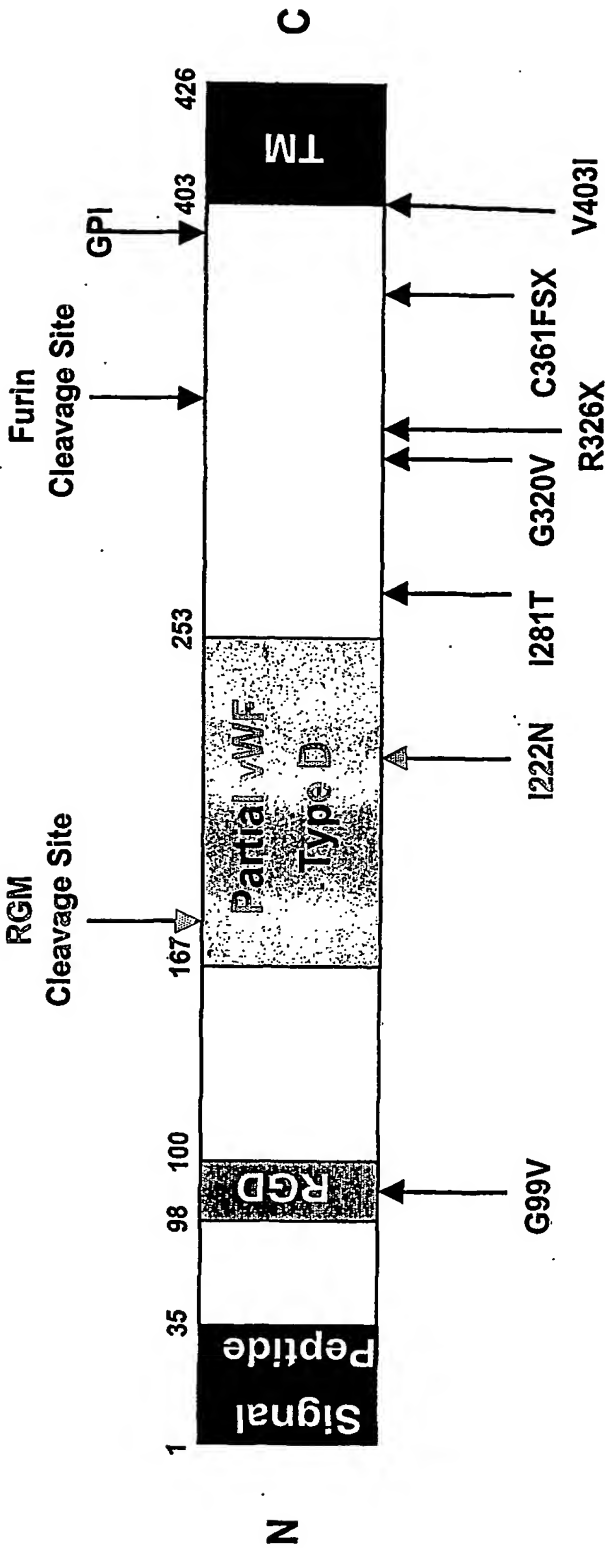


FIGURE 7A



BEST AVAILABLE COPY

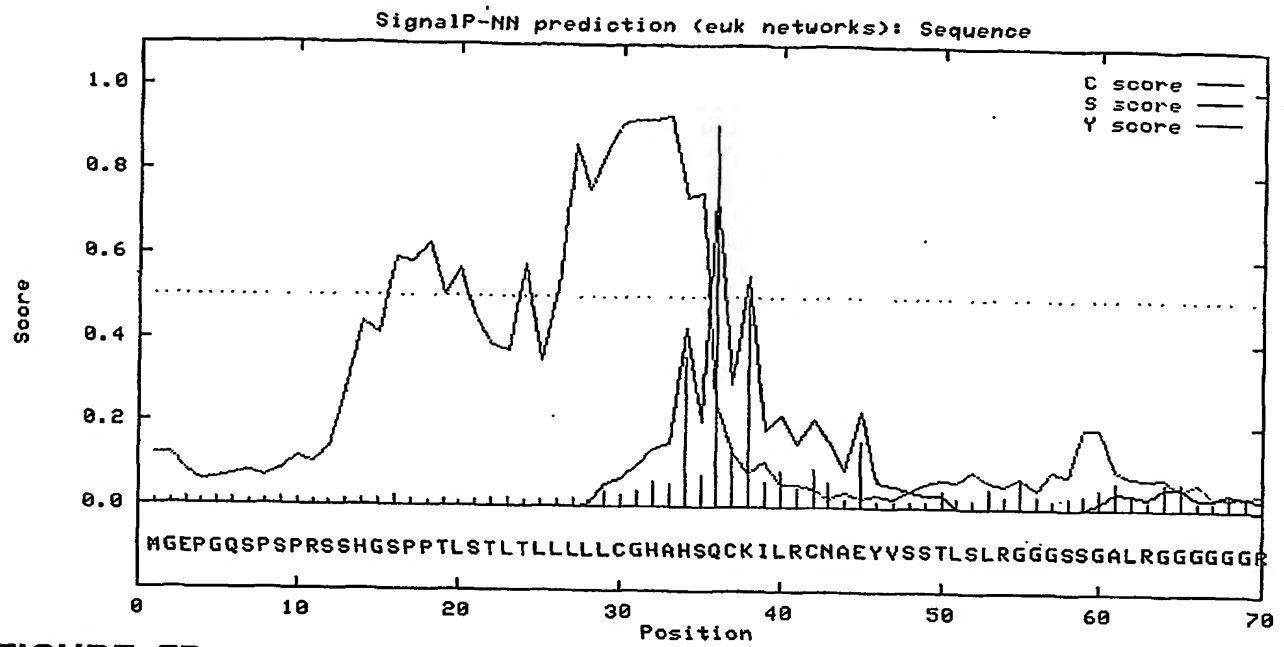


FIGURE 7B

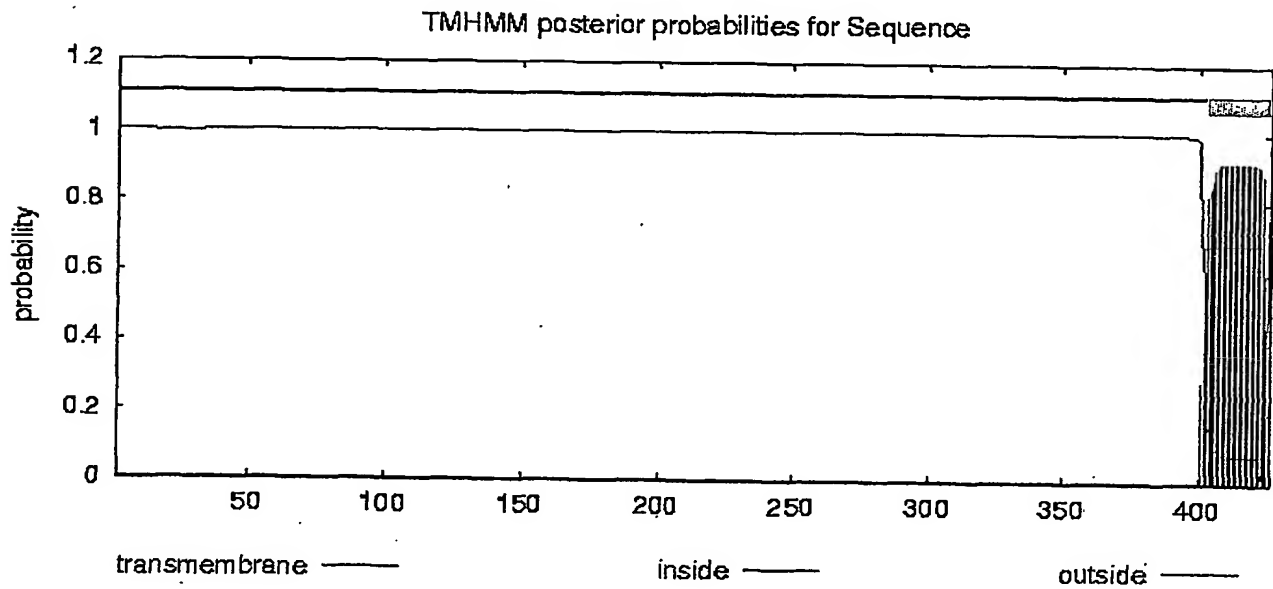


FIGURE 7C

LOC148738 : CASFGDPHVRSFH---HHEHTCRVOCAPLLENDRLLEVOATSSPMALGA : 46
 gnl|CDD|192 : CSVSGDGHVTTFDGRKYTFPCNCTYVLAODGTSEPSKSVLLKNVN--EGG : 48

LOC148738 : NATATRKLTIIRKNMOECIDQKVYQAEVD---NLPVAREEDGSIN : 87
 gnl|CDD|192 : DATCEKSVKVELNDIEIELKQDGGKVTVNGQKVSLLPYKTS DGSIR : 93

FIGURE 7D

Human : FGDPHVRSE----- : 9
 Chicken_RGM : FGDPHLRTF----- : 9

FIGURE 7E

BEST AVAILABLE COPY

FIGURE 8A

1 **ATG**GGGGAGCCAGGCCAGTCCCCTAGTCCCAGGTCCTCCCATGGCAGTCCCCCAACTCTA
 1 -M--G--E--P--G--Q--S--P--S--P--R--S--S--H--G--S--P--P--T--L--
 61 AGCACTCTCACTCTCCTGCTGCTCCTCTGTGGACATGCTCATTCTCAATGCAAGATCCTC
 21 -S--T--L--T--L--L--L--L--L--C--G--H--A--H--S--Q--C--K--I--L--
 121 CGCTGCAATGCTGAGTACGTATCGTCCACTCTGAGCCTTAGAGGTGGGGGTTCATCAGGA
 41 -R--C--N--A--E--Y--V--S--S--T--L--S--L--R--G--G--G--S--S--G--
 181 GCACTTCGAGGAGGAGGAGGAGGAGGCCGGGGTGGAGGGGTGGGCTCTGGCGGCCCTCTGT
 61 -A--L--R--G--G--G--G--G--G--R--G--G--G--V--G--S--G--G--L--C--
 241 CGAGCCCTCCGCTCCTATGCGCTCTGCACTCGGCGCACCGCCCGCACCTGCCGCGGGGAC
 81 -R--A--L--R--S--Y--A--L--C--T--R--R--T--A--R--T--C--R--G--D--
 301 CTCGCCTTCCATTCCGGCGGTACATGGCATCGAAGACCTGATGATCCAGCACAACTGCTCC
 101 -L--A--F--H--S--A--V--H--G--I--E--D--L--M--I--Q--H--N--C--S--
 361 CGCCAGGGCCCTACAGCCCCTCCCCCGCCCCGGGGCCCCGCCCTTCCAGGCGCGGGCTCC
 121 -R--Q--G--P--T--A--P--P--P--P--R--G--P--A--L--P--G--A--G--S--
 421 GGCTCCCTGCCCGGACCCCTTGTGACTATGAAGGCCGGTTTTCCCGGCTGCATGGTCTGT
 141 -G--L--P--A--P--D--P--C--D--Y--E--G--R--F--S--R--L--H--G--R--
 481 CCCCCGGGGTCTTGCATTGCGCTTCCTTCGGGGACCCCCATGTGCGCAGCTTCCACCAT
 161 -P--P--G--F--L--H--C--A--S--F--G--D--P--H--V--R--S--F--H--H--
 541 CACTTTACACATGCCGTGTCCAAGGAGCTTGGCCTCTACTGGATAATGACTTCCTCTTT
 181 -H--F--H--T--C--R--V--Q--G--A--W--P--L--L--D--N--D--F--L--F--
 601 GTCCAAGCCACCAGCTCCCCCATGGCGTTGGGGGCCAACGCTACCGCCACCCGGAAGCTC
 201 -V--Q--A--T--S--S--P--M--A--L--G--A--N--A--T--A--T--R--K--L--
 661 ACCATCATATTTAAGAACATGCAGGAATGCATTGATCAGAAGGTGTATCAGGCTGAGGTG
 221 -T--I--I--F--K--N--M--Q--E--C--I--D--Q--K--V--Y--Q--A--E--V--
 721 GATAATCTTCCTGTAGCCTTTGAAGATGGTTCTATCAATGGAGGTGACCGACCTGGGGGA
 241 -D--N--L--P--V--A--F--E--D--G--S--I--N--G--G--D--R--P--G--G--
 781 TCCAGTTTGTGCGATTCAAACCTGCTAACCCCTGGGAACCATGTGGAGATCCAAGCTGCCTAC
 261 -S--S--L--S--I--Q--T--A--N--P--G--N--H--V--E--I--Q--A--A--Y--
 841 ATTGGCACAACTATAATCATTCGGCAGACAGCTGGGCAGCTCTCCTTCTCCATCAAGGTA
 281 -I--G--T--T--I--I--I--R--Q--T--A--G--Q--L--S--F--S--I--K--V--
 901 GCAGAGGATGTGGCCATGGCCTTCTCAGCTGAACAGGACCTGCAGCTCTGTGTTGGGGGG
 301 -A--E--D--V--A--M--A--F--S--A--E--Q--D--L--Q--L--C--V--G--G--
 961 TGCCCTCCAAGTCAGCGACTCTCTCGATCAGAGCGCAATCGTCGGGGAGCTATAACCATT
 321 -C--P--P--S--Q--R--L--S--R--S--E--R--N--R--R--G--A--I--T--I--
 1021 GATACTGCCAGACGGCTGTGCAAGGAAGGGCTTCCAGTGAAGATGCTTACTTCCATTCC
 341 -D--T--A--R--R--L--C--K--E--G--L--P--V--E--D--A--Y--F--H--S--

FIGURE 8B

1081 TGTGTCCTTTGATGTTTTAATTTCTGGTGATCCCAACTTTACCGTGGCAGCTCAGGCAGCA
361 -C--V--F--D--V--L--I--S--G--D--P--N--F--T--V--A--A--Q--A--A--
♦ ♦ ♦
1141 CTGGAGGATGCCCCGAGCCTTCCTGCCAGACTTAGAGAAGCTGCATCTCTTCCCCTCAGAT
381 -L--E--D--A--R--A--F--L--P--D--L--E--K--L--H--L--F--P--S--D--
1201 GCTGGGGTTCCTCTTTCCTCAGCAACCCTCTTAGCTCCACTCCTTTCTGGGCTCTTTGTT
401 -A--G--V--P--L--S--S--A--T--L--L--A--P--L--L--S--G--L--F--V--
1261 CTGTGGCTTTGCATTCAGTAAGGGGACCATCAGTCCCATTACTAGTTTGGAATGATTG
421 -L--W--L--C--I--Q--*.....

FIGURE 9

Open circle/square = Unknown (no data)
 Crossed circle/square = Unaffected
 Filled circle/square = Affected
 Grey circle/square = Unknown (ambiguous)
 Slash circle/square = Deceased

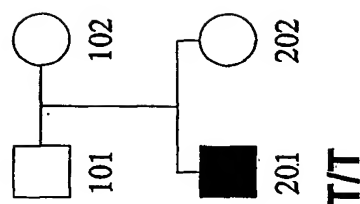
FIGURE 9A**JH-003**

FIGURE 9B

JH-004

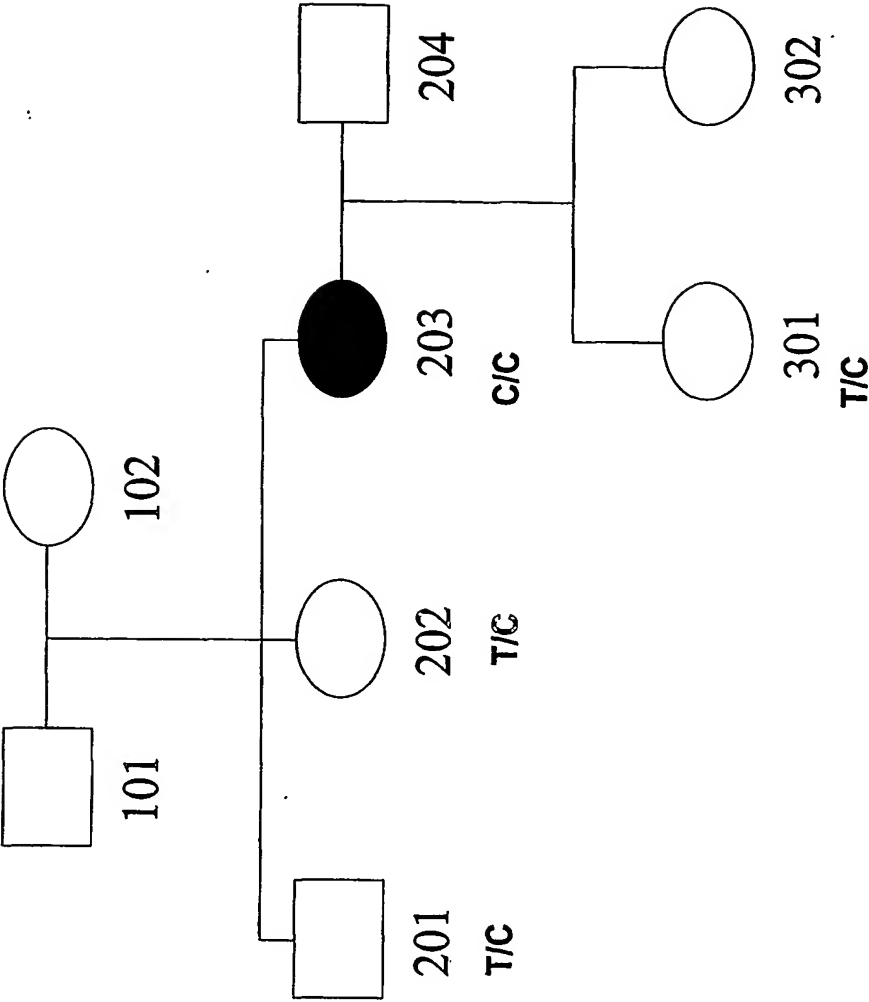


FIGURE 9C

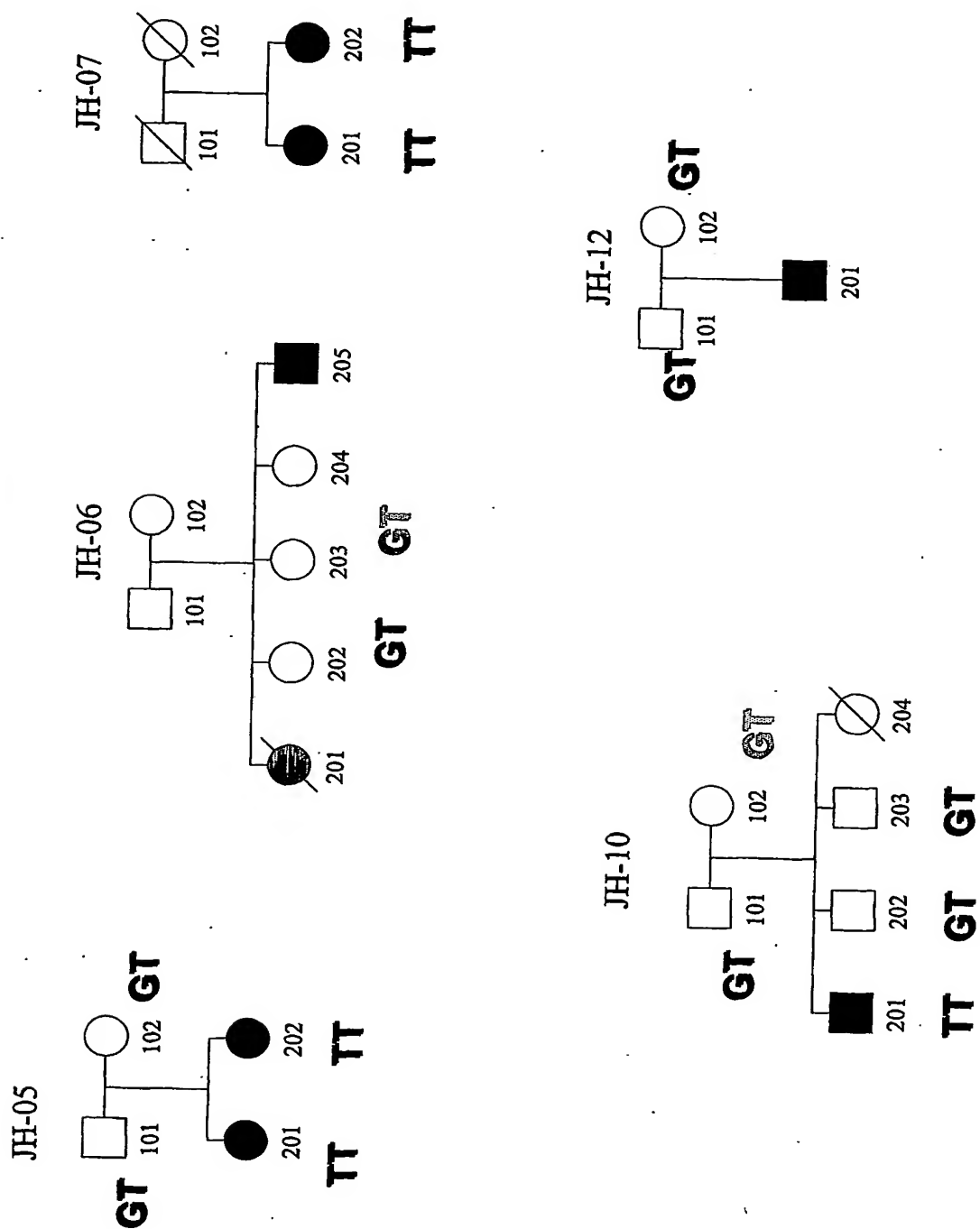


FIGURE 9D

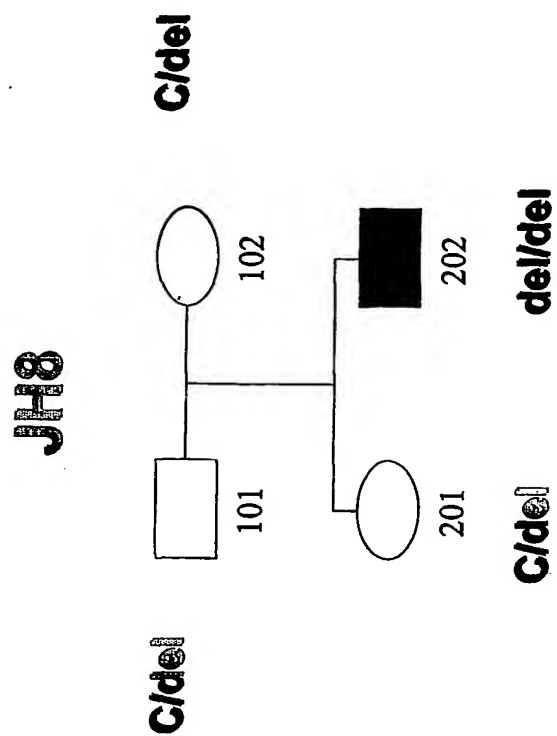


FIGURE 9E

